



PROGRAMA DEL EVENTO



1ER SIMPOSIO INTERNACIONAL M4 (Microbiota, Microbioma, Metagenómica y Metatranscriptómica): SECUENCIACIÓN MASIVA PARA ESTUDIOS DE VANGUARDIA

15 a 17 de Octubre 2025
Modalidad Virtual

PROGRAMA GENERAL DEL EVENTO

(Hora de Ciudad de México)

Miércoles 15 de Octubre 2025		
09:00-09:30 hrs	Inauguración	
09:30-10:30 hrs	Conferencia magistral	"Microbiota y salud" Dra. Rosa del Campo Moreno Hospital Ramón y Cajal, Madrid, España
10:30-11:30 hrs	Conferencia magistral	"Genómica ambiental: de la ecología a la biotecnología" Dra. Asunción Lago Lestón Centro de Investigaciones Científicas y de Estudios Superiores de Ensenada (CICESE), México
11:30-12:00 hrs	Receso	
12:00-13:00 hrs	Conferencia magistral	"Uso de herramientas bioinformáticas para el estudio del microbioma: de la secuenciación al análisis" Dr. Héctor Martínez Gregorio Facultad de Estudios Superiores Iztacala, UNAM, México
13:00-14:00 hrs	Ponencias orales cortas	

Jueves 16 de Octubre 2025		
09:00-10:00 hrs	Conferencia magistral	"Ómicas y enfoque dependiente de cultivos articulado a la bioprospección para el estudio del microbioma de insectos vectores" Dr. Rafael José Vivero Gómez Universidad Nacional de Colombia, Medellín, Colombia
10:00-11:00 hrs	Conferencia magistral	"Del gen al ecosistema: estrategias ómicas para el estudio de hongos extremófilos y su valor en biodiversidad y biotecnología" Dr. Ramón Alberto Batista García Universidad Autónoma del Estado de Morelos, México
11:00-11:30 hrs	Receso	
11:30-12:30 hrs	Conferencia magistral	"Metagenómica, principios básicos y planeación de proyectos" M.C. Aurora Labastida Martínez OMICs Analysis, México
12:30-14:00 hrs	Ponencias orales cortas	

Viernes 17 de Octubre 2025		
09:00-10:00 hrs	Conferencia magistral	"Ecogenómica microbiana en ambientes extremos, los tapetes hipersalinos de Guerrero Negro" Dr. Miguel Ángel Martínez Mercado Centro de Investigaciones Biológicas del Noreste (CIBNOR), México
10:00-11:00 hrs	Conferencia magistral	"Análisis del transcriptoma en la era de la secuenciación masiva: fundamentos y aplicaciones bioinformáticas" LIC. José Antonio Ovando Ricárdez GenomicsTrack Solutions, México
11:00-11:30 hrs	Receso	
11:30-13:30 hrs	Ponencias orales cortas	
13:30-14:00 hrs	Sorteo de 3 becas para curso 16S por parte de Winter Genomics Clausura	

PROGRAMA DE PONENCIAS ORALES CORTAS (Hora de Ciudad de México)

Miércoles 15 de Octubre 2025	
13:00-13:15 hrs	Poblaciones microbianas predominantes en el rumen de bovinos alimentados con diferentes dietas, identificadas mediante secuenciación masiva de genes 16S y mcrA <i>Diana Sofía Torres-Velázquez, Daniel Francisco Ramos-Rosales, Manuel Murillo-Ortiz, Jesús Bernardo Páez-Lerma, Juan Antonio Rojas-Contreras, Karina Aide Araiza-Ponce y Damián Reyes-Jáquez</i>
13:15-13:30 hrs	Microbiota intestinal en 16 especies de abejas sin aguijón en México (Hymenoptera: Meliponini) <i>María de Lourdes Ramírez-Ahuja, Kenzy I. Peña-Carrillo, Mayra A. Gómez-Govea, Antonio Guzmán Velasco, José Ignacio González-Rojas, Diana Reséndez-Pérez e Iram Pablo Rodríguez-Sánchez</i>
13:30-13:45 hrs	Caracterización del microbioma bacteriano en el sistema de transporte público de la ciudad de Chihuahua mediante análisis de amplicones 16S rRNA <i>Said Niebla-Sáenz, Bárbara A. Bordon, Alejandra Borrego-Loya, Ma. Carmen González-Horta, Karina Ibarra-Legarda, Román González-Escobedo, Ma. Carmen E. Delgado-Gardea, Zilia Y. Muñoz-Ramírez y Rocío Infante-Ramírez</i>
13:45-14:00 hrs	Composición bacteriana, crecimiento y nutrición de plántulas de <i>Fraxinus uhdei</i> Wenz. Lingelsh <i>Juan Carlos Cuevas-Cruz y Tomás Martínez-Trinidad</i>

Jueves 16 de Octubre 2025	
12:30-12:45 hrs	Desentrañando el diálogo microbiano: Impacto del estiércol y la arvense <i>Amaranthus hybridus</i> L. en el microbioma del suelo <i>Jesús Vásquez-Arroyo, América Palacios-López, Getzemani Morones-Rocha, Erika Nava-Reyna, Alejandra Cabrera-Rodríguez, Luis Manuel Valenzuela-Núñez, Gerardo Zapata-Sifuentes y Cristina García-De la Peña</i>
12:45-13:00 hrs	Análisis metagenómico en sedimentos de la Reserva de la Biósfera los Petenes en la Península de Yucatán, para la búsqueda de genes Policétido sintasa Tipo I <i>Jade Daynef Chi-Cortéz, Luis Alfonso Sáenz-Carbonell, Julio Vega-Arreguín, Mariel Gullian-Klanian, Ingrid Aileen O'Connor-Sánchez, Luis Alfonso Can-Herrera, Santy Peraza-Echeverría y Carlos Alberto Puch-Hau</i>
13:00-13:15 hrs	Ácidos grasos libres alteran el microbioma del dinoflagelado <i>Gymnodinium catenatum</i> formador de florecimientos algales nocivos <i>Martín Fernando Encinas-Yáñez, Christine Johanna Band-Schmidt, Bárbara González-Acosta, Blanca Estela Romero-López, César Salvador Cardona-Félix y Claudia Judith Hernández-Guerrero</i>
13:15-13:30 hrs	Comparación del cambio de la microbiota del líquido biliar en pacientes con coledolitiasis y colangitis <i>Marco Antonio Vázquez-Ávila, Mario Ángel López-Luis, Alfonso Méndez-Tenorio, Araceli Rojas-Bernabé y Gabriela Ibáñez-Cervantes</i>
13:30-13:45 hrs	Detección de virus en calabacita (<i>Cucurbita pepo</i>) en la costa sur de Jalisco por medio de secuenciación de alto rendimiento (HTS) <i>José Jesús Márquez-Diego, Candelario Ortega-Acosta, Cintya Ivette Rojas-Navarro y Daniel Leobardo Ochoa-Martínez</i>
13:45-14:00 hrs	Efecto de los CDPs producidos por <i>Pseudomonas aeruginosa</i> PA01 en la permeabilidad intestinal en un modelo de disbiosis asociada a obesidad en ratas Wistar <i>Marlene Estefanía Campos-Morales, Lorena Martínez-Alcantar y Asdrúbal Aguilera-Méndez</i>

Viernes 17 de Octubre 2025	
11:30-11:45 hrs	Microbiota del filoaplano en árboles urbanos bajo distintos niveles de tráfico <i>Olivia Zapata-Martínez, Ingrid Aileen O'connor-Sánchez, Mirbella del Rosario Cáceres-Farfán, Roberth Armando Us-Santamaria y José Luis Andrade</i>
11:45-12:00 hrs	Estudio de la diversidad fúngica en superficies del transporte público de la Ciudad de Chihuahua <i>Bárbara A. Bordon, Said Niebla-Sáenz, Ma. Carmen E. Delgado-Gardea, Román González-Escobedo, Rocío Infante-Ramírez y Zilia Y. Muñoz-Ramírez</i>
12:00-12:15 hrs	Desarrollo de comunidades microbianas como herramienta biotecnológica para <i>Capsicum annuum</i> (chile poblano) <i>Ramsés Gallegos-Monterrosa, Citlali Huerta-Barrón, Miguel Castañeda-Lucio, David Pérez-Gutiérrez, Leoncio Domínguez-Medina, Tolin Cruz-Hernández, Eliseo García-Pérez y Minerva Romero-Sánchez</i>
12:15-12:30 hrs	Estudio del sistema CRISPR-Cas9 en <i>Azotobacter vinelandii</i> <i>Valeria Abigail Mendiola-Cobo, Miguel Castañeda-Lucio y Liliana López-Pliego</i>
12:30-12:45 hrs	Implicaciones de la cría en laboratorio en el estudio de microbiota asociada a resistencia a insecticidas en <i>Aedes aegypti</i> <i>Alejandro Mejía-Muñoz, Ana María Mejía-Jaramillo, Carl Lowenberger, Karla Saavedra-Rodríguez y Omar Triana-Chávez</i>
12:45-13:00 hrs	Efecto de la suplementación con probióticos en la microbiota de larvas del huachinango del Pacífico <i>Lutjanus peru</i> <i>Raquel Abigail García-Castillo, Silvie Dumas, César Salvador Cardona-Félix y Ulises Amador-Marrero</i>
13:00-13:15 hrs	Caracterización de la microbiota sanguínea del bison americano (<i>Bison bison</i>) en el Rancho el Uno, Chihuahua <i>Juan Carlos Ontiveros-Chacón, Cristina García-De La Peña, Joel Domínguez-Viveros, Nelson Aguilar-Palma, Verónica Ávila-Rodríguez y Josué Raymundo Estrada-Arellano</i>
13:15-13:30 hrs	Análisis metatranscriptómico de caracoles terrestres nativos e invasivos en Australia <i>Berenice Talamantes-Becerra, Wei-Shan Chang, Michelle Michie, Mike Hodda, Mariana Hopper y Valerie Caron</i>